



ОБАВЕШТЕЊЕ О ОДБРАНИ МАСТЕР РАДА

Име:	Никола
Презиме:	Дизајнант
Број индекса:	391
Департман:	Биотехнологија
Тема мастер рада:	Оптимизација PCR апликације АмЛ4 при евакуацији стручне кептичније МБМТ промотора као глобалног
Ментор:	проф. др Татјана Мирковић
Датум одбране:	12. 6. 2023.
Време одбране:	12:00
Место одбране:	С3Л2 100

Датум:	Потпис студента:
31. 5. 2023.	Никола Дизајнант

ИЗЈАВА

Студент: Никола Ђијаковић

Број индекса: 391

Студијски програм: Биологија

Наслов мастер рада: Оптимизација PCR амплификације Alu(4) при свакодневном стручном мешавину РЕМТ промеса као генобиљастог

Ментор мастер рада: проф. др Тетјана Митровић

Изјављујем да без сагласности ментора резултати мастер рада неће бити публиковани у стручном или научном часопису нити саопштени на научном скупу/конференцији.

У Нишу, 2023.

Потпис

Никола Ђијаковић

	ПРИРОДНО - МАТЕМАТИЧКИ ФАКУЛТЕТ НИШ
КЉУЧНА ДОКУМЕНТАЦИЈСКА ИНФОРМАЦИЈА	
Редни број, РБР:	
Идентификациони број, ИБР:	
Тип документације, ТД:	монографска
Тип записа, ТЗ:	текстуални / графички
Врста рада, ВР:	мастер рад
Аутор, АУ:	Никола Дијановић
Ментор, МН:	Татјана Митровић
Наслов рада, НР:	Оптимизација PCR амплификације <i>AluC4</i> при евалуацији статуса метилације <i>MGMT</i> промотора код глиобластома
Језик публикације, ЈП:	српски
Језик извода, ЈИ:	енглески
Земља публиковања, ЗП:	Р. Србија
Уже географско подручје, УГП:	Р. Србија
Година, ГО:	2023.
Издавач, ИЗ:	авторски репринт
Место и адреса, МА:	Ниш, Вишеградска 33.
Физички опис рада, ФО: (поглавља/стрена/цветла/табела/слика/графика/прилога)	7 поглавља; 56 стр.; 52 цитата; 6 табела; 9 слика
Научна област, НО:	биологија
Научна дисциплина, НД:	молекуларна биологија
Предметна одредница/Кључне речи, ПО:	глиобластом, <i>MGMT</i> , <i>AluC4</i>
УДК	577.215 : 616-006
Чува се, ЧУ:	библиотека
Важна напомена, ВН:	Овај мастер рад део је веће студије у оквиру пројекта „Превентивни, терапијски и етички приступ претклиничким и клиничким истраживањима гена и модулатора редокс ћелијске сигнализације у имунском, инфламаторном и пролиферативном одговору ћелије“ (Евиденциони број III 41018), финансираног од стране Министарства просвете, науке и технолошког развоја Републике Србије, као и уговора 451-03-68/2022-14/200124 о финансирању научно-истраживачког рада Природно-математичког факултета Универзитета у Нишу, у 2022. години.

	ПРИРОДНО - МАТЕМАТИЧКИ ФАКУЛТЕТ НИШ	
КЉУЧНА ДОКУМЕНТАЦИЈСКА ИНФОРМАЦИЈА		
Извод, ИЗ:	<p>Метилијација промоторног региона гена за О6 – метилгуанин – ДНК метилтрансферазу (O6-methylguanine-DNA methyltransferase, eng. - <i>MGMT</i>) представља поуздан прогностички и предикциони маркер глиобластома (GB). Методом метилирање – специфичне амплификације ДНК ланчаном реакцијом ДНК полимеразе (methylation-specific PCR, eng. - MSP) се квантификује ниво метилијације <i>MGMT</i> на основу разлика у количини <i>MGMT</i> и гена „нормализатора“, истовремено амплификованог у MSP реакцији. Показано је да <i>AluC4</i> представља један од најпоузданијих секвенци „гена нормализатора“ при извођењу MSP на узорцима GB и глиома. Предмет овог рада представља испитивање оптималних услова PCR амплификације <i>AluC4</i> „нормализатора“ у свеже-замрзнутим (snap-frozen, eng.) узорцима GB. С тим циљем, различити сетови реакција постављени су ради оптимизације температуре „annealing“-а и оптимизације концентрације MgCl₂ у PCR реакцији. Семиквантитативном софтверском обрадом електрофоретских снимака (ImageJ софтвер) утврђено је да је оптимална температура „annealing“-а (annealing temperature, eng.) 60°C, а концентрација MgCl₂ 1.5mM. Добијени резултати омогућиће валидни основ за извођење експериментата „масовне“ MSP евалуације статуса метилијације промоторног региона <i>MGMT</i> у узорцима GB.</p>	
Датум прихватања теме, ДП:	24. мај 2023.	
Датум одбране, ДО:		
Чланови комисије, КО:	Председник:	Владимир Цветковић, ванредни професор
	Члан:	Јелена Виторовић, ванредни професор
	Члан, ментор:	Татјана Митровић, редовни професор и ментор

	ПРИРОДНО - МАТЕМАТИЧКИ ФАКУЛТЕТ НИШ KEY WORDS DOCUMENTATION
---	--

Accession number, ANO:	
Identification number, INO:	
Document type, DT:	monograph
Type of record, TR:	textual / graphic
Contents code, CC:	master thesis
Author, AU:	Nikola Dijanović
Mentor, MN:	Tatjana Mitrović
Title, TI:	Optimization of PCR amplification of <i>AluC4</i> during the evaluation of <i>MGMT</i> promoter methylation status in glioblastom
Language of text, LT:	Serbian
Language of abstract, LA:	English
Country of publication, CP:	Republic of Serbia
Locality of publication, LP:	Serbia
Publication year, PY:	2023
Publisher, PB:	author's reprint
Publication place, PP:	Niš, Višegradska 33.
Physical description, PD: <small>(chapters/pages/ref./tables/pictures/graphs/appendices)</small>	7 chapters; 56 p.; 52 references; 6 tables; 9 figures
Scientific field, SF:	biology
Scientific discipline, SD:	molecular biology
Subject/Key words, S/KW:	glioblastoma, <i>MGMT</i> , <i>AluC4</i>
UC	577.215 : 616-006
Holding data, HD:	library
Note, N:	This master's thesis is part of a larger study within the project "Preventive, therapeutic and ethical approach to preclinical and clinical research of genes and modulators of redox cell signaling in the immune, inflammatory and proliferative response of the cell" (Record number III 41018), funded by the Ministry of Education, Science and Technological development of the Republic of Serbia, as well as contract 451-03-68/2022-14/200124 on financing the scientific research work of the Faculty of Science and Mathematics of the University of Niš, in 2022.



**ПРИРОДНО - МАТЕМАТИЧКИ ФАКУЛТЕТ
НИШ**

KEY WORDS DOCUMENTATION

Abstract, AB:	<p>Methylation of the promoter region of the gene for O6 - methylguanine - DNA methyltransferase - <i>MGMT</i> is a reliable prognostic and predictive marker of glioblastoma (GB). The method of methylation-specific amplification of DNA by DNA polymerase chain reaction (methylation-specific PCR, eng - MSP) quantifies the level of <i>MGMT</i> methylation based on differences in the amount of <i>MGMT</i> and "normalizer" genes, simultaneously amplified in the MSP reaction. <i>AluC4</i> has been shown to represent one of the most reliable "normalizer gene" sequences when performing MSP on GB and glioma samples. The subject of this work is the examination of the optimal conditions for PCR amplification of the <i>AluC4</i> "normalizer" in fresh-frozen (snap-frozen, Eng.) GB samples. With that aim, different sets of reactions were set up to optimize the annealing temperature and the MgCl₂ concentration in the PCR reaction. Semi-quantitative software processing of electrophoretic images (ImageJ software) determined that the optimal annealing temperature is 60°C, and the concentration of MgCl₂ is 1.5 mM. The obtained results will provide a valid basis for conducting "mass" MSP experiments evaluating the methylation status of the <i>MGMT</i> promoter region in GB samples.</p>	
Accepted by the Scientific Board on, ASB:	24.05.2023.	
Defended on, DE:		
Defended Board, DB:	President:	Vladimir Cvetković, associate professor
	Member:	Jelena Vitorović, associate professor
	Member, Mentor:	Tatjana Mitrović, full professor